

特許協力条約

発信人 日本国特許庁（国際調査機関）

出願人代理人

圓谷 徹

様

あて名

〒 530-0001
大阪府大阪市北区梅田1丁目1-3
大阪駅前第3ビル1616号

PCT
国際調査機関の見解書
(法施行規則第40条の2)
(PCT規則43の2.1)

発送日
(日.月.年)

17.8.2004

出願人又は代理人

の番類記号 U 2003 P 103

今後の手続きについては、下記2を参照すること。

国際出願番号

PCT/JP2004/003507

国際出願日

(日.月.年) 16.03.2004

優先日

(日.月.年) 03.03.2004

国際特許分類 (IPC) Int. Cl' C12N15/09

出願人 (氏名又は名称)

国立遺伝学研究所長が代表する日本国

1. この見解書は次の内容を含む。

第I欄 見解の基礎
 第II欄 優先権
 第III欄 新規性、進歩性又は産業上の利用可能性についての見解の不作成
 第IV欄 発明の単一性の欠如
 第V欄 PCT規則43の2.1(a)(i)に規定する新規性、進歩性又は産業上の利用可能性についての見解、それを裏付けるための文献及び説明
 第VI欄 ある種の引用文献
 第VII欄 国際出願の不備
 第VIII欄 国際出願に対する意見

2. 今後の手続き

国際予備審査の請求がされた場合は、出願人がこの国際調査機関とは異なる国際予備審査機関を選択し、かつ、その国際予備審査機関がPCT規則66.1の2(b)の規定に基づいて国際調査機関の見解書を国際予備審査機関の見解書とみなさない旨を国際事務局に通知していた場合を除いて、この見解書は国際予備審査機関の最初の見解書とみなされる。

この見解書が上記のように国際予備審査機関の見解書とみなされる場合、様式PCT/ISA/220を送付した日から3月又は優先日から22月のうちいずれか遅く満了する期限が経過するまでに、出願人は国際予備審査機関に、適当な場合は補正書とともに、答弁書を提出することができる。

さらなる選択肢は、様式PCT/ISA/220を参照すること。

3. さらなる詳細は、様式PCT/ISA/220の備考を参照すること。

見解書を作成した日

03.08.2004

名称及びあて先

日本国特許庁 (ISA/JP)

郵便番号 100-8915

東京都千代田区霞が関三丁目4番3号

特許庁審査官 (権限のある職員)

田中 耕一郎

4B 9636

電話番号 03-3581-1101 内線 3446

第一欄 見解の基礎

1. この見解書は、下記に示す場合を除くほか、国際出願の言語を基礎として作成された。

この見解書は、日本語による翻訳文を基礎として作成した。
それは国際調査のために提出されたPCT規則12.3及び23.1(b)にいう翻訳文の言語である。

2. この国際出願で開示されかつ請求の範囲に係る発明に不可欠なヌクレオチド又はアミノ酸配列に関して、以下に基づき見解書を作成した。

a. タイプ 配列表

配列表に関するテーブル

b. フォーマット 書面

コンピュータ読み取り可能な形式

c. 提出時期 出願時の国際出願に含まれる

この国際出願と共にコンピュータ読み取り可能な形式により提出された

出願後に、調査のために、この国際調査機関に提出された

3. さらに、配列表又は配列表に関するテーブルを提出した場合に、出願後に提出した配列若しくは追加して提出した配列が出願時に提出した配列と同一である旨、又は、出願時の開示を超える事項を含まない旨の陳述書の提出があった。

4. 补足意見：

第V欄 新規性、進歩性又は産業上の利用可能性についてのPCT規則43の2.1(a)(i)に定める見解、それを裏付ける文献及び説明

1. 見解

新規性 (N)	請求の範囲 2-12 請求の範囲 1, 13	有 無
進歩性 (I.S)	請求の範囲 1-13	有 無
産業上の利用可能性 (I.A)	請求の範囲 1-13	有 無

2. 文献及び説明

文献1 : Britta S. Singer, et al.,
"Libraries for genomic SELEX."
Nucleic Acid Research, 1997, Vol. 25, No. 25, pp781-786

文献2 : Lin Zhang, et al.,
"Whole genome amplification from a single cell: Implication for genetic analysis."
Proc. Natl. Acad. Sci., 1992, Vol. 89, pp5847-5851

文献3 : Dietmar Grothues, et al.,
"PCR amplification of megabase DNA with tagged random primer (T-PCR)."
Nucleic Acid Research, 1993, Vol. 21, No. 5, pp1321-1322

文献4 : Fengzhu Sun, et al.,
"Whole genome amplification of single cells: mathematical analysis of PEP and tagged PCR."
Nucleic Acid Research, 1995, Vol. 23, No. 15, pp3034-3040

・請求の範囲1及び13について

請求の範囲1及び13に記載された発明は、国際調査報告に引用された文献1より新規性を有さない。

文献1には、対象生物種のゲノムDNA又はその断片を鉄型とし、ランダムプライマーを使用してPCRを行い、ゲノムを増幅することにより、ゲノムライブラリーを作製する方法及びその方法によって作製されたゲノムライブラリーが記載されていると認められる。

(補充欄へ続く)

補充欄

いずれかの欄の大きさが足りない場合

第 V. 欄の続き

・請求の範囲 2-9について

請求の範囲 2-9 に記載された発明は、国際調査報告に引用された文献 1-2 より進歩性を有さない。

文献 2 には、対象生物種のゲノム DNA 又はその断片を錆型とし、ランダムプライマーを使用して PCR を行い、ゲノムを増幅することが記載されている。

ゲノムの増幅を効率よく行うため、用いるプライマーの配列やその長さを変更してみようすることは、本願優先日当時当業者によく知られた技術的事項であり、その際に対象生物種のゲノムにおける出現頻度を考慮することも、本願優先日当時当業者が容易に想到し得たことである。

また、アニーリング温度等の PCR 条件は、本願優先日当時当業者が必要に応じて隨時最適化し得たことである。

そして、その効果も格別なものとすることはできない。

・請求の範囲 10-12について

請求の範囲 10-12 に記載された発明は、国際調査報告に引用された文献 1-3 より進歩性を有さない。

文献 3 には、1種類の固有配列からなるプライマーを使用して PCR を行い、ゲノムを増幅することが記載されている。

文献 1-3 に記載された発明は、いずれも PCR によるゲノムを増幅するという共通の技術課題を有する。文献 1-2 に記載の発明において、その共通する技術課題を解決するために、文献 3 に記載のプライマーを使用するという手段を適用することは、当業者であれば容易に想到できたことである。

そして、その効果も格別なものとすることはできない。